

SEQUENCE LISTING

<110> ARIAD Gene Therapeutics, Inc.

<120> Regulation of Biological Events Using Novel Compounds

<130> 374 USD1

<140> 09/781,804

<141> 2001-02-12

<160> 64

<170> PatentIn version 3.0

<210> 1

<211> 14

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> membrane binding domain

<220>

<221> DOMAIN

<222> (1)..(14)

<223> membrane binding domain

<400> 1

Met	Gly	Ser	Ser	Lys	Ser	Lys	Pro	Lys	Asp	Pro	Ser	Gln	Arg
1				5					10				

<210> 2

<211> 4

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> organelle binding domain

<220>

<221> DOMAIN

<222> (1)..(4)

<223> organelle binding domain

<400> 2

Lys Asp Glu Leu

1

<210> 3

<211> 4

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> organelle binding domain

<220>

<221> DOMAIN

<222> (1)..(4)

<223> organelle binding domain

<400> 3

His Asp Glu Leu

1

<210> 4

<211> 36

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(36)

<223> primer

<400> 4

gcatgtctag agagatgtgg catgaaggcc tggaag

36

<210> 5

<211> 35
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(35)
 <223> primer

<400> 5
 gcatcactag tctttgagat tcgtcggaac acatg
 35

<210> 6
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(36)
 <223> primer

<400> 6
 gcacattcta gaattgatac gccagaccc ttg
 33

<210> 7
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> primer

<220>

<221> misc_feature
<222> (1)..(33)
<223> primer

<400> 7
cgatcaacta gtaagtgtca atttccgggg cct
33

<210> 8
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(36)
<223> primer

<400> 8
gcactatcta gactgaagaa catgtgtgag cacagc
36

<210> 9
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(36)
<223> primer

<400> 9
gcactatcta gagtgagcga ggagctgac cgagtg
36

<210> 10
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(36)
<223> primer

<400> 10
cgatcaacta gtggaaacat attgcagctc taagga
36

<210> 11
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(36)
<223> primer

<400> 11
cgatcaacta gttggcacag ccaattcaag gtcccg
36

<210> 12
<211> 31
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(31)

<223> primer

<400> 12

atgctctaga ctgggggcct tgcttggcaa c
31

<210> 13

<211> 31

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(31)

<223> primer

<400> 13

atgctctaga gatgagtttc ccaccatggt g
31

<210> 14

<211> 39

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(39)

<223> primer

<400> 14
gcatggatcc gctcaactag tggagctgat ctgactcag
39

<210> 15
<211> 31
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(31)
<223> primer

<400> 15
atgctctaga cttggaaccg gacctgccgc c
31

<210> 16
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(34)
<223> primer

<400> 16
gcatcactag tccagaaagg gcaccagcca atat
34

<210> 17
<211> 25
<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(25)

<223> primer

<400> 17

gccatggtgg ctagcctata gtgag
25

<210> 18

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(25)

<223> primer

<400> 18

ggcgggtgttg gctagcgctcg gtcag
25

<210> 19

<211> 27

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> pSMTN3 construct

<220>

<221> DOMAIN

<222> (1)..(27)

<223> pSMTN3+12CA5+SV40T NLS

<400> 19

Met Ala Ser Ser Tyr Pro Tyr Asp Val Pro Asp Tyr Ala Ser Leu
Gly
1 5 10 15

Gly Pro Ser Ser Pro Lys Lys Lys Arg Lys Val
20 25

<210> 20

<211> 123

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> pSMTN3 construct coding sequence

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(123)

<223> pSMTN3+12CA5+SV40T NLS

<400> 20

gaattccaga agcgcgtatg gcttctagct atccttatga cgtgcctgac tatgc
cagcc 60

tgggaggacc ttctagtcct aagaagaaga gaaagggtgac tagatatcga ggatc
ccaag 120

ctt

123

<210> 21

<211> 128

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> FKBP+His+HA epitopes

<220>
 <221> DOMAIN
 <222> (1)..(128)
 <223> FKBP+His+HA tags

<400> 21

Met His His His His His His Tyr Pro Tyr Asp Val Pro Asp Tyr
 Ala
 1 5 10 15

Ala Met Ala His Met Gly Val Gln Val Glu Thr Ile Ser Pro Gly
 Asp
 20 25 30

Gly Arg Thr Phe Pro Lys Arg Gly Gln Thr Cys Val Val His Tyr
 Thr
 35 40 45

Gly Met Leu Glu Asp Gly Lys Lys Phe Asp Ser Ser Arg Asp Arg
 Asn
 50 55 60

Lys Pro Phe Lys Phe Met Leu Gly Lys Gln Glu Val Ile Arg Gly
 Trp
 65 70 75
 80

Glu Glu Gly Val Ala Gln Met Ser Val Gly Gln Arg Ala Lys Leu
 Thr
 85 90 95

Ile Ser Pro Asp Tyr Ala Tyr Gly Ala Thr Gly His Pro Gly Ile
 Ile
 100 105 110

Pro Pro His Ala Thr Leu Val Phe Asp Val Glu Leu Leu Lys Leu
 Glu
 115 120 125

<210> 22
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FKBP12 C24 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(27)
<223> FBBP12 variant

<400> 22
agcataaaact tatggggcctt gtttctg
27

<210> 23
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FKBP12 C24 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(27)
<223> FKBP12 variant

<400> 23
agcataaaact ttaagggcctt gtttctg
27

<210> 24
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> FKBP12 C24 mutant primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(27)

<223> FKBP12 variant

<400> 24

agcataaaact tagcgggctt gtttctg
27

<210> 25

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> FKBP12 C24 Mutant primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(27)

<223> FKBP12 variant

<400> 25

ttgcctagca tatgcttaaa gggcttg
27

<210> 26

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> FKBP12 C24 mutant primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(27)

<223> FKBP variant

<400> 26
ttgcctagca ttaacttaaa gggcttg
27

<210> 27
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FKBP12 C24 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(27)
<223> FKBP12 variant

<400> 27
ttgcctagca tagccttaaa gggcttg
27

<210> 28
<211> 26
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FKBP12 C24 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(26)
<223> FKBP12 variant

<400> 28
cctcggatca ccgcctgctt gcctag
26

<210> 29
<211> 26
<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> FKBP12 C24 mutant primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(26)

<223> FKBP12 variant

<400> 29

cagcctcgga tcgcctcctg cttgcc
26

<210> 30

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> FKBP12 C13/C14 mutant primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(30)

<223> FKBP12 variant

<400> 30

ccgggaggaa tcggctttct ttccatcttc
30

<210> 31

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> FKBP12 C13/C14 mutant primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(30)

<223> FKBP12 variant

<400> 31

ccgggaggaa tcgactttct ttccatcttc
30

<210> 32

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> FKBP12 C13/C14 mutant primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(30)

<223> FKBP12 Variant

<400> 32

ccgggaggaa tcagatttct ttccatcttc
30

<210> 33

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> FKBP12 C13/C14 mutant primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(30)

<223> FKBP12 variant

<400> 33

ccgggaggaa tccattttct ttccatcttc
30

<210> 34
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FKBP12 C13/C14 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(27)
<223> FKBP12 variant

<400> 34
aagctccaca tcggcgacga gagtggc
27

<210> 35
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FKBP12 C13/C14 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(27)
<223> FKBP variant

<400> 35
aagctccaca tcgccgacga gagtggc
27

<210> 36
<211> 29
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FKBP12 C13/C14 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(29)
<223> FKBP12 variant

<400> 36
caagcatccc ggtggcgtgc accacgcag
29

<210> 37
<211> 29
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FKBP12 C13/C14 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(29)
<223> FKBP12 variant

<400> 37
tcccgggagg aagcaaattt ctttccatc
29

<210> 38
<211> 26
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FKBP12 C28/C30 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(38)
<223> FKBP12 variant

<400> 38
cctcggatca ccgcctgctt gcctag

26

<210> 39
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FRAP C7 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(27)
<223> FRAP variant

<400> 39
cctttcccca aagtgcaaac gagatgc
27

<210> 40
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FRAP C7 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(27)
<223> FRAP variant

<400> 40
cctttcccca aagagcaaac gagatgc
27

<210> 41
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> FRAP C7 mutant primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(27)

<223> FRAP variant

<400> 41

cctttcccca aaggccaaac gagatgc
27

<210> 42

<211> 29

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> FRAP C7 mutant primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(29)

<223> FRAP variant

<400> 42

gttcctttcc ccatggtaca aacgagatg
29

<210> 43

<211> 29

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> FRAP C7 mutant primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(29)

<223> FRAP variant

<400> 43
gttcctttcc cctaagtaca aacgagatg
29

<210> 44
<211> 29
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FRAP C7 muatnt primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(29)
<223> FRAP variant

<400> 44
gttcctttcc ccagcgtaca aacgagatg
29

<210> 45
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FRAP C7 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(27)
<223> FRAP variant

<400> 45
gtcccaggct tgggcgaggt ccttgac
27

<210> 46
<211> 40

<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FRAP C7 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(40)
<223> FRAP variant

<400> 46
gtcccaggct tggttgaggt tcgagacatt ccctgatttc
40

<210> 47
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FRAP C7 mutant primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(27)
<223> FRAP variant

<400> 47
gtcccaggct tggttgaggt ccttgac
27

<210> 48
<211> 29
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FRAP C7 mutant primer

<220>
<221> misc_feature

<222> (1)..(29)
<223> FRAP variant

<400> 48
catgataata gagggcccag gcttgggtg
29

<210> 49
<211> 50
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(50)
<223> primer

<400> 49
gcatcccatg gcaatcctct ggcatgagat gtggcatgaa ggcctggaag
50

<210> 50
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(34)
<223> primer

<400> 50
cgtgaggatc ctactttgag attcgtcgga acac
34

<210> 51
<211> 48
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(48)
<223> primer

<400> 51
gcattctctag aatcctctgg catgagatgt ggcattgaagg cctggaag
48

<210> 52
<211> 47
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(47)
<223> primer

<400> 52
ggctctggatc cctaataact agtctttgag attcgtcggg acacatg
47

<210> 53
<211> 8
<212> PRT
<213> Artificial

<220>
<223> FLAG epitope

<220>
 <221> DOMAIN
 <222> (1)..(8)
 <223> FLAG epitope

<400> 53

Asp Tyr Lys Asp Asp Asp Asp Tyr
 1 5

<210> 54
 <211> 85
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> oligonucleotide

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(85)
 <223> oligonucleotide

<400> 54
 catgtctaga gggagtagca agagcaagcc taaggacccc agccagcgca ctagt
 taaga 60

attctgatga tcagcggatc ctagc
 85

<210> 55
 <211> 85
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> oligonucleotide

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(85)
 <223> oligonucleotide

<400> 55

gctaggatcc gctgatcatc agaattctta actagtgcgc tggctggggg cctta
ggctt 60

gctcttgcta ctccctctag acatg
85

<210> 56

<211> 37

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligonucleotide

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(37)

<223> oligonucleotide

<400> 56

cgcttgtag aattcgcgcg tatggggagt agcaaga
37

<210> 57

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligonucleotide

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(30)

<223> oligonucleotide

<400> 57

cccagccagc gctctagata agaattctga
30

<210> 58
 <211> 18
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> oligonucleotide

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(18)
 <223> oligonucleotide

<400> 58
 aagggtcccc aaactcac
 18

<210> 59
 <211> 61
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> oligonucleotide

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(61)
 <223> oligonucleotide

<400> 59
 gcatgactag ttatccgtac gacgtaccag actacgcata agaaaagtga ggatc
 ctacg 60

g
 61

<210> 60
 <211> 61
 <212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligonucleotide

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(61)

<223> oligonucleotide

<400> 60

ccgtaggata ctcacttttc ttatgcgtag tctgggtacgt cgtacggata actag
tcatg 60

c

61

<210> 61

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligonucleotide

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(58)

<223> oligonucleotide

<400> 61

ccgtaggata ctcacttttc ttaataatcg tcatcgtctt tgtagtcact agtca
tgc 58

<210> 62

<211> 58

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligonucleotide

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(58)
 <223> oligonucleotide

<400> 62
 gcatgactag tgactacaaa gacgatgacg attattaaga aaagtgagga tccta
 cgg 58

<210> 63
 <211> 16
 <212> PRT
 <213> Artificial

<220>
 <223> membrane binding domain

<220>
 <221> DOMAIN
 <222> (1)..(16)
 <223> membrane binding domain

<400> 63

Met Gly Ser Ser Lys Ser Lys Pro Lys Asp Pro Ser Gln Arg Ser
 Arg
 1 5 10 15

<210> 64
 <211> 103
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> construct containing membrane binding domain sequence
 s

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(103)
 <223> construct containing membrane binding domain

<400> 64

cgcctttag aattcgcgcg tatggggagt agcaagagca agcctaagga ccca
gccag 60

cgctctagat aagaattctg atgatcagcg gatcctgaga act
103